

**REQUISIÇÃO DE ONCOLOGIA**  
**TUMORES SÓLIDOS**

PF COLAR VINHETA e/ou PREENCHER:
**INFORMAÇÃO DO DOENTE:**

\*Nome:

\*Sexo: F  M 

\*D.N.: / /

N.º Processo Clínico:

Morada:

E-mail:

Telefone:

**\*Médico:**
**\*C.P.:**
**\*Hospital / Serviço:**
**Telefone:**
**Autoriza o envio do relatório por e-mail?** Sim  Não 

Se sim, por favor indique o **endereço institucional**:

**\*Consentimento Informado** (a ser preenchido pelo médico):

Declaro que o consentimento informado do doente para diagnóstico foi obtido.

Sim  Não 

Declaro que o consentimento informado do doente para investigação foi obtido.

Sim  Não 
**Diagnóstico:**

Diagnóstico inicial  Recaída/Progressão 
**\*Campos de preenchimento obrigatório**
**MÉDICO REQUISITANTE**
**\*Terapêutica:** Sim  Não  Qual:

**Sangue Periférico – Data da Colheita:**

Hora da Colheita:

**FFPE – \*Exame n.º:**
**\*Data da ressecção / biópsia:**

Peça cirúrgica  Biópsia  Biópsia por agulha  Cell-block 

Outro:

Bloco de Parafina  Secções de Parafina  Macrodissecção  Sim  Não

**\*% Células Neoplásicas:**

Informação relevante sobre a amostra (principais contaminantes, sangue, necrose ou outros):

**\*Médico Patologista:**
**C.P.:**
**\*E-mail/Telefone:**
**Hospital / Serviço:**

Códigos SNS em azul

**Painéis NGS**
 **34900 Biomarcadores para Tumores Sólidos**

**Hotspots** - 35 genes: AKT1; ALK; AR; BRAF; CDK4; CTNNB1; DDR2; EGFR; ERBB2 (HER2); ERBB3 (HER3); ERBB4 (HER4); ESR1; FGFR2; FGFR3; GNA11; GNAQ; HRAS; IDH1; IDH2; JAK1; JAK2; JAK3; KIT; KRAS; MAP2K1 (MEK1); MAP2K2 (MEK2); MET; MTOR; NRAS; PDGFR; PIK3CA; RAF1; RET; ROS1; SMO  
**Rearranjos** (23 genes): ABL1; AKT3; ALK; AXL; BRAF; EGFR; ERBB2 (HER2); ERG; ETV1; ETV4; ETV5; FGFR1; FGFR2; FGFR3; MET; NTRK1; NTRK2; NTRK3; PDGFR; PPARG; RAF1; RET; ROS1  
**CNVs** (19 genes): ALK; AR; BRAF; CCND1; CDK4; CDK6; EGFR; ERBB2 (HER2); FGFR1; FGFR2; FGFR3; FGFR4; KIT; KRAS; MET; MYC; MYCN; PDGFR; PIK3CA

 **34900 Painel Bexiga**

**Hotspots**: AKT1; ALK; BRAF; DDR2; EGFR; FGFR2; FGFR3; ERBB2 (HER2); ERBB3 (HER3); ERBB4 (HER4); KRAS; MAP2K1; MET; NRAS; PIK3CA; RET; ROS1  
**Rearranjos**: ALK; FGFR1; FGFR2; FGFR3; MET (skipping exão 14); NTRK1; NTRK2; NTRK3; ROS1; RET  
**CNVs**: EGFR; FGFR1; FGFR2; ERBB2 (HER2); KRAS; MET

 **34900 Painel BRCA – Pacote 1**
**Genes:** BRCA1 e BRCA2

insAlu (sangue) + NGS (sangue ou FFPE) + MLPA (sangue) \*

 **34900 Painel BRCA – Pacote 2**
**Genes:** BRCA1 e BRCA2

insAlu (sangue) + NGS (sangue ou FFPE) \*

\*O estudo somático (em amostra de tumor), recomendamos o envio de amostra de sangue juntamente com o pedido. Inclui confirmação da origem da mutação (germinal ou somática)

 **34900 Painel CCR**

**Hotspots**: BRAF; EGFR; ERBB2 (HER2); ERBB3 (HER3); KRAS; NRAS; PIK3CA  
**Rearranjos**: NTRK1; NTRK2; NTRK3  
**CNVs**: ERBB2 (HER2); MET

 **34900 Painel Mama**

**Hotspots**: AKT1; ERBB2 (HER2); ESR1; PIK3CA  
**Rearranjos**: FGFR1; NTRK1; NTRK2; NTRK3  
**CNVs**: ERBB2 (HER2); FGFR1; FGFR2

 **34900 Painel Pulmão**

**Hotspots**: AKT1; ALK; BRAF; DDR2; EGFR; FGFR2; FGFR3; ERBB2 (HER2); ERBB3 (HER3); ERBB4 (HER4); KRAS; MAP2K1; MET; NRAS; PIK3CA; RET; ROS1  
**Rearranjos**: ALK; FGFR1; FGFR2; FGFR3; MET (skipping exão 14); NTRK1; NTRK2; NTRK3; ROS1; RET  
**CNVs**: EGFR; FGFR1; FGFR2; ERBB2 (HER2); KRAS; MET

 **34900 Painel Tiróide**

**Hotspots**: BRAF; HRAS; KRAS; NRAS; PIK3CA; RET  
**Rearranjos**: ALK; BRAF; NTRK1; NTRK2; NTRK3; PPARG; RET

## Testes por patologia

### Cancro Colo-Rectal

- 34900 **KRAS**, com **NRAS** e **BRAF** (V600) reflexo
- 34650 **MSI** - Instabilidade de Microssatélites (1)
- 34900 Hipermetilação do promotor do gene **MLH1**

### Cancro do Endométrio

- 34900 **POLE** (exões 9, 11, 13, 14)
- 34650 **MSI** - Instabilidade de Microssatélites (1)
- 34900 Hipermetilação do promotor do gene **MLH1**
- 34900 **TP53**

### Melanoma

- 34900 Painel: **BRAF** (V600); **KIT** (exão 11); **NRAS** (codões 12, 13, 61)

### Tumores do Estroma Gastrointestinal

- 34900 Painel: **KIT** (exões 9, 11, 13, 14, 17); **PDGFRA** (exões 12, 14, 18)

### Tumores do Sistema Nervoso Central

- 36314 **BRAF** (V600)
- 34900 **H3F3A** (K27M e G34R/V)
- 34900 **HIST1H3B** (K27M)
- 34900 **IDH1** (exão 4)
- 34900 **IDH2** (exão 4)
- 34900 Promotor do **TERT** (C228T e C250T)
- 36312 Metilação do Promotor do **MGMT**
- 2x31710 **1p36 e 19q13** - co-deleção (FISH)
- 31710 **RELA** (11q13) - rearranjo (FISH)
- 31710 **EGFR** (7p12) - amplificação (FISH)
- 31710 **PTEN** (10q23.31) - deleção (FISH)
- 31710 **BRAF** (7q34) - rearranjo (**BRAF::KIAA1549** e variantes) (FISH)
- 31710 **CDKN2A** (9p21) – deleção (FISH)

## Testes individuais

### Genética Molecular

- 36314 **BRAF** (V600)
- 34900 **H3F3A** (K27M e G34R/V)
- 34900 **HIST1H3B** (K27M)
- 34900 **IDH1** (exão 4)
- 34900 **IDH2** (exão 4)
- 5x34847 **KIT** (exões 9, 11, 13, 14, 17)
- 34650 **MSI** - Instabilidade de Microssatélites (1)
- 34900 Hipermetilação do promotor do gene **MLH1**
- 36312 Metilação do Promotor do **MGMT**
- 34900 **NRAS** (codões 12, 13, 61)
- 34900 **PDGFRA** (exões 12, 14, 18)
- 34900 **POLE** (exões 9, 11, 13, 14)
- 34900 Promotor do **TERT** (C228T e C250T)
- 34900 **TP53**

### Citogenética Molecular (FISH)

- 2x 31710 **1p36 e 19q13** - co-deleção
- 31710 **ALK** (2p23) - rearranjo
- 31710 **BRAF** (7q34) - rearranjo (**BRAF::KIAA1549** e variantes)
- 31710 **CDKN2A** (9p21) - deleção
- 31710 **EGFR** (7p12) - amplificação
- 31710 **ERBB2 (HER2)** - amplificação
- 2x31710 **FGFR1** (8p12) e **FGFR2** (10q26) - amplificação
- 31710 **PTEN** (10q23.31) - deleção
- 31710 **RELA** (11q13) - rearranjo
- 31710 **ROS1** (6q22) - rearranjo

- 34900 Outros: \_\_\_\_\_

### Assinatura do Médico Requisitante:

Data: / /

### Informação sobre amostras e envio:

- **Condições de rejeição de amostra:** Amostras sem tecido/conteúdo tumoral. Amostras descalcificadas.
- Solicitamos o envio do relatório de Anatomia Patológica e/ou informação da percentagem de células neoplásicas.
- Recomenda-se a realização de macrodisssecção se a percentagem de células neoplásicas for inferior a 20-30%.
- Para a avaliação de CNVs por NGS adequada a percentagem de células neoplásicas deverá ser superior a 50%.

Tipo de Amostra	Volume / Concentração / Condições FFPE por tipo de teste	Estabilidade e Condições de envio
Sangue Periférico em EDTA	3 a 6 mL	Até 48h / Temp. ambiente Até 72h / Refrigerado
ADN	>5µg com concentração >20ng/µL	Até 48h / Temp. ambiente > 48h / Refrigerado
FFPE	<b>NGS</b> <b>Outros Testes Moleculares</b> <b>FISH</b>	Bloco de parafina + 1 lâmina HE com área tumoral delimitada (1) <div style="display: flex; justify-content: space-around; width: 100%;"> <span>6 secções de 20 µm</span> <span>10 secções de 10 µm (1)</span> <span>3 secções de 50 µm</span> </div> Temp. ambiente

(1) – Para o teste MSI - Instabilidade de Microssatélites enviar Tecido Tumoral e Tecido Epitelial Normal

### Consentimento Informado (obrigatório - a ser preenchido pelo utente)

Declaro que tomei conhecimento da Política de Privacidade da GenoMed® - Diagnósticos de Medicina Molecular, S.A., disponível em <https://genomed.pt/politica-de-privacidade-e-de-cookies> e dou consentimento para o tratamento dos meus dados pessoais.

Concordo  Não concordo

Declaro que autorizo a colheita de material biológico meu/de \_\_\_\_\_ [afiliação], \_\_\_\_\_ [nome], nascido a \_\_\_\_\_ / \_\_\_\_\_ / \_\_\_\_\_, para a execução dos testes genéticos acima especificados, cujas finalidades e limitações me foram explicadas pelo médico acima referido. Fui informado sobre as consequências resultantes destes testes. Autorizo que a minha amostra seja armazenada de forma a permitir a repetição do teste ou a realização de testes adicionais na GenoMed ou em Centros de referência a nível mundial com os quais exista colaboração. Os dados sujeitos a sigilo médico só poderão ser revelados a familiares e respectivos médicos com a minha permissão e nunca a terceiros. Poderei revogar este consentimento em qualquer altura.

Concordo  Não concordo

Declaro ainda que a amostra poderá ser utilizada para fins de investigação científica (os resultados dos testes/dados clínicos poderão ser usados em publicações científicas de forma anónima), no âmbito de projecto aprovado por Comissão de Ética competente para o efeito.

Concordo  Não concordo

(De acordo com a norma da DGS nº 015/2013 actualizada.)

### Assinatura do Utente:

Data: / /