

REQUISIÇÃO DE ONCOLOGIA ESTUDO DE TUMORES SÓLIDOS

IDENTIFICAÇÃO DO PACIENTE (preenchimento obrigatório ou colar vinheta):	
Nome:	
F <input type="checkbox"/> M <input type="checkbox"/>	Data de Nascimento: / /
N.º Identificação:	
A preencher pela GenoMed: Colar etiqueta(s)	
Conferido por:	

MÉDICO REQUISITANTE (preenchimento obrigatório)
Nome:
Hospital/Serviço:
Telefone:
Autoriza o envio do relatório por e-mail? Sim <input type="checkbox"/> Não <input type="checkbox"/>
Se sim, por favor indique o endereço institucional :

DADOS CLÍNICOS/DIAGNÓSTICO:
(indicar terapêutica, se aplicável)

Diagnóstico inicial Recaída/Progressão

Consentimento Informado (a ser preenchido pelo médico):

Declaro que o consentimento informado do doente para diagnóstico e/ou investigação foi obtido. Sim Não

Assinatura do Médico Requiritante: _____ Data: ____ / ____ / ____

TESTES DISPONÍVEIS

Painel de Biomarcadores para Tumores Sólidos por NGS (1) 34900

Mutações (Hotspots - 35 genes): AKT1; ALK; AR; BRAF; CDK4; CTNNB1; DDR2; EGFR; ERBB2 (HER2); ERBB3 (HER3); ERBB4 (HER4); ESR1; FGFR2; FGFR3; GNA11; GNAQ; HRAS; IDH1; IDH2; JAK1; JAK2; JAK3; KIT; KRAS; MAP2K1 (MEK1); MAP2K2 (MEK2); MET; MTOR; NRAS; PDGFRA; PIK3CA; RAF1; RET; ROS1; SMO

CNVs^a (19 genes): AKT1; ALK; AR; BRAF; CCND1; CDK4; CDK6; EGFR; ERBB2 (HER2); FGFR1; FGFR2; FGFR3; FGFR4; KIT; KRAS; MET; MYC; MYCN; PDGFRA; PIK3CA

Rearranjos (23 genes): ABL1; AKT3; ALK; AXL; BRAF; EGFR; ERBB2 (HER2); ERG; ETV1; ETV4; ETV5; FGFR1; FGFR2; FGFR3; MET; NTRK1; NTRK2; NTRK3; PDGFRA; PPARG; RAF1; RET; ROS1

Cancro do Pulmão

Pulmão **Standard** por NGS (1) 34900

Mutações (Hotspots): ALK; BRAF; EGFR; HER2; KRAS; MET

Rearranjos: ALK; MET (skipping exão 14); NTRK1; NTRK2; NTRK3; ROS1; RET

CNVs^a: EGFR; HER2; KRAS; MET

Pulmão **Extended** por NGS (1) 34900

Mutações (Hotspots): AKT1; ALK; BRAF; DDR2; EGFR; FGFR2; FGFR3; HER2; HER3; HER4; KRAS; MAP2K1 (MEK1); MET; NRAS; PIK3CA; RET; ROS1

Rearranjos: ALK; FGFR1; FGFR2; FGFR3; MET (skipping exão 14); NTRK1; NTRK2; NTRK3; ROS1; RET

CNVs^a: EGFR; FGFR1; HER2; KRAS; MET

Testes Individuais

EGFR (2) 36063

BRAF (Val600) (2) 36314

KRAS (codões 12, 13 e 61) (2) 36058

MET (skipping exão 14) (2) 34900

Rearranjos do gene **ALK** (2p23) por FISH (3) 31710

Rearranjos do gene **ROS1** (6q22) por FISH (3) 31710

Progressão – Mutação de resistência

p.Thr790Met em Biópsia Líquida 34900
(Condições de colheita sob consulta)

p.Thr790Met em Re-biópsia (4) 34900

a – Para avaliação de CNVs é **mandatório** o envio da percentagem de células neoplásicas para secções de parafina

PARA QUALQUER ESCLARECIMENTO CONTACTE: Dra. Ana Carla Sousa (assousa@medicina.ulisboa.pt) / Dra. Sónia Santos (soniasantos@medicina.ulisboa.pt) Ext. 47327/22/01 IMP 72.30 Pág. 1/2

Cancro Colo-Rectal

RAS (KRAS/NRAS) e BRAF (Val600) em tumor (4)	<input type="checkbox"/> 34900	RAS (KRAS/NRAS) e BRAF (Val600) em biópsia líquida	<input type="checkbox"/> 34900
RAS (KRAS/NRAS) em tumor (4)	<input type="checkbox"/> 34900	(Condições de colheita sob consulta)	
BRAF (Val600) em tumor (2)	<input type="checkbox"/> 36314	RAS (KRAS/NRAS) em biópsia líquida	<input type="checkbox"/> 34900
MSI - Instabilidade de Microssatélites (2) - Necessário tecido tumoral e normal - tubos separados)	<input type="checkbox"/> 34650	(Condições de colheita sob consulta)	

Tumores Sistema Nervoso Central

BRAF (Val600) (2)	<input type="checkbox"/> 36314	Promotor do gene TERT (C228T e C250T) (2)	<input type="checkbox"/> 34900
H3F3A (K27M e G34R/V) (2)	<input type="checkbox"/> 34900	Metilação do Promotor do gene MGMT (2)	<input type="checkbox"/> 36312
HIST1H3B (K27M) (2)	<input type="checkbox"/> 34900	Pesquisa de del(1p36) e del(19q13) por FISH (3)	<input type="checkbox"/> 2x31710
IDH1 (exão 4) (2)	<input type="checkbox"/> 34900	Rearranjos do gene RELA (11q13) por FISH (3)	<input type="checkbox"/> 31710
IDH2 (exão 4) (2)	<input type="checkbox"/> 34900	Amplificação do gene EGFR (7p12) por FISH (3)	<input type="checkbox"/> 31710

Melanoma

BRAF (Val600) (2)	<input type="checkbox"/> 36314
c-KIT (exão 11) (2)	<input type="checkbox"/> 34847
NRAS (codões 12, 13 e 61) (2)	<input type="checkbox"/> 34900

Tumores do Estroma Gastrointestinal (GIST)

c-KIT (exões 9 e 11) (2)	<input type="checkbox"/> 2x34847
c-KIT (exões 9, 11, 13, 14 e 17) (2)	<input type="checkbox"/> 5x34847
PDGFRα (exões 12, 14 e 18) (2)	<input type="checkbox"/> 34900

Outros:

Amplificação do gene Her-2/neu por FISH (3)	<input type="checkbox"/> 31710
--	--------------------------------

Médico Patologista: _____ Contacto: _____

Hospital: _____

Tecido Tumoral – Caracterização pelo Serviço de Anatomia Patológica:

Solicitamos o envio do relatório de Anatomia Patológica e/ou informação da percentagem de células neoplásicas presentes.

Condições de rejeição de amostra: Amostras sem tecido/conteúdo tumoral. Amostras descalcificadas.

Exame nº: _____

Data da ressecção/biópsia: ____ / ____ / ____

Informação relevante sobre a amostra :

(principais contaminantes, sangue, necrose ou outros)

Secções de parafina (se % de células neoplásicas inferior a 20-30%, recomenda-se a realização de macrodissecção)

Macrodissecção Sim Não % Células Neoplásicas^a _____

Verificar no teste requisitado o código que indicará a quantidade e espessura adequada (em pedidos múltiplos enviar um tubo por espessura):

(1) 6x20 µm

(3) 3x50 µm

(2) 10x10 µm

(4) 5x10 µm

FFPE

- Peça cirúrgica
- Biópsia
- Biópsia por agulha
- cell-block

Outro

- citologia em meio líquido
- Tecido a fresco

a – Para avaliação de CNVs é **mandatório** o envio da percentagem de células neoplásicas para secções de parafina

Biópsia Líquida (Atenção: Condições de colheita sob consulta)

EDTA Cell-free DNA collection Tube

Hora da colheita: _____ Data: ____ / ____ / ____ Téc. Colheita: _____