

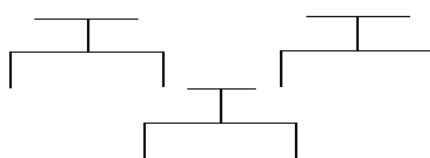
MÉDICO REQUISITANTE (preenchimento obrigatório)	
Nome (ou colar vinheta):	Nº ordem dos médicos:
Instituição:	Serviço:
E-mail:	Telefone:
Assinatura:	Data: ____/____/____
Autoriza o envio do relatório por e-mail? Sim <input type="checkbox"/> Não <input type="checkbox"/> Se sim, por favor indique o endereço institucional: _____	
INFORMAÇÃO DO DOENTE / UTENTE (preenchimento obrigatório ou colar vinheta)	
Nome:	Sexo: F <input type="checkbox"/> M <input type="checkbox"/>
N.º Identificação / N.º Processo clínico:	Data de nascimento: ____/____/____
A preencher pela GenoMed: _____ Colar etiqueta(s) _____ Conferido por: _____	

DADOS CLÍNICOS E DIAGNÓSTICO*
Data da próxima consulta: ____/____/____
<small>*Anexar, sempre que possível e seja relevante, informação clínica, dados familiares nomeadamente consanguinidade, outros casos na família, árvore genealógica, etc.</small>

INFORMAÇÃO FAMILIAR
Caso índice (doente) <input type="checkbox"/> Caso familiar (doente) <input type="checkbox"/> Caso familiar (saudável) <input type="checkbox"/>
Variante familiar conhecida? NÃO <input type="checkbox"/> SIM <input type="checkbox"/>
Em caso de variante familiar conhecida*: Gene/RefSeq: _____ / _____ Variante: _____ A variante foi identificada na GenoMed? NÃO <input type="checkbox"/> SIM <input type="checkbox"/>
<small>*Para o estudo de portador ou pré-sintomático anexar, sempre que possível, uma cópia do relatório do caso índice. De acordo com o artigo 9º da lei nº 12/2005, a prescrição de testes de heterozigotia, pré-sintomáticos e preditivos (em indivíduos saudáveis) apenas pode ser feita por médico Geneticista.</small>

Informações para a construção da árvore genealógica:

Homem Mulher Afectado Portadores Falecidos Consanguinidade Caso Index



AMOSTRA	COLHEITA
Sangue (EDTA) <input type="checkbox"/> ADN <input type="checkbox"/> Tumor <input type="checkbox"/> . ____% (percentagem de infiltração)	Data: ____/____/____
Outro (especifique) _____	Hora: ____:____

CONSENTIMENTO INFORMADO (a ser preenchido pelo médico)
Declaro que o consentimento informado do doente para diagnóstico foi obtido. SIM <input type="checkbox"/> NÃO <input type="checkbox"/>
Declaro que o consentimento informado do doente para investigação foi obtido. SIM <input type="checkbox"/> NÃO <input type="checkbox"/>

CONSENTIMENTO INFORMADO (obrigatório - a ser preenchido pelo utente)
Declaro que autorizo a colheita de material biológico meu/de _____ [afiliação], _____ [nome], nascido a ____/____/____, para a execução dos testes genéticos acima especificados, cujas finalidades e limitações me foram explicadas pelo médico acima referido. Fui informado sobre as consequências resultantes destes testes. Autorizo que a minha amostra seja armazenada de forma a permitir a repetição do teste ou a realização de testes adicionais na GenoMed ou em Centros de referência a nível mundial com os quais exista colaboração. Os dados sujeitos a sigilo médico só poderão ser revelados a familiares e respectivos médicos com a minha permissão e nunca a terceiros. Poderei revogar este consentimento em qualquer altura.
<input type="checkbox"/> Concordo <input type="checkbox"/> Não concordo
Declaro ainda que a amostra poderá ser utilizada para fins de investigação científica (os resultados dos testes/dados clínicos poderão ser usados em publicações científicas de forma anónima), no âmbito de projecto aprovado por Comissão de Ética competente para o efeito.
<input type="checkbox"/> Concordo <input type="checkbox"/> Não concordo
<small>(De acordo com a norma da DGS nº 015/2013 actualizada.)</small>
Assinatura do utente: _____ Data: ____/____/____

PARA QUALQUER ESCLARECIMENTO CONTACTE: Dr.ª Diana Antunes, MD (dianaantunes@medicina.ulisboa.pt) / Dr.ª Ana Coutinho, PhD (anacoutinho@medicina.ulisboa.pt) Ext. 47301/47308.

TESTE GENÉTICO REQUISITADO

- Doença/Gene(s):
-
- Estudo de mutação familiar (especificar na "Informação familiar")
-
- Painel de genes por NGS (nome do painel):
-
- Genes adicionais (se pretender personalizar o painel acima, especifique quais são os genes que pretende incluir):
-
- Com análise de CNVs*
*Custo adicional.
- Análise adicional de genes por NGS (baseado em exoma total) para:
- Painel de NGS (nome do painel):
-
- Gene(s) (especifique):
-
- Extração de ADN
- Outros estudos:

CARDIOMIOPATIAS

- CARDIOMIOPATIAS - PAINEL DE 103 GENES POR NGS:** AARS2, ABCC9, ACTA1, ACTC1, ACTN2, ANKRD1, BAG3, CALR3, CASQ2, CAV3, CAVIN4, CHR2, COA5, CRYAB, CSRP3, CTF1, CTNNA3, DES, DMD, DOLK, DSC2, DSG2, DSP, DTNA, EMD, EYA4, FHL1, FHL2, FHOD3, FKTN, FLNC, FOXRED1, FXN, GAA, GATAD1, GLA, GLB1, GUSB, HRAS, ILK, JPH2, JUP, KONQ1, KLF10, KRAS, LAMA4, LAMP2, LDB3, LMNA, MAP2K1, MAP2K2, MIB1, MRPL3, MYBPC3, MYH6, MYH7, MYL2, MYL3, MYLK2, MYOM1, MYOZ1, MYOZ2, MYPN, NEBL, NEXN, NRAS, OBSCN, PDLIM3, PKP2, PLN, PRDM16, PRKAG2, PSEN1, PSEN2, PTPN11, RAF1, RBM20, RIT1, RYR2, SCN5A, SCD2, SGCA, SGCD, SHOC2, SLC25A3, SLC25A4, SOS1, TAZ, TCAP, TGFB3, TMEM43, TMEM70, TMPO, TNNC1, TNNI3, TNNT2, TPM1, TRDN, TRIM63, TSFM, TTN, TTR, VCL
- MIOCARDIOPATIA ARRITMOGÉNICA DO VENTRÍCULO DIREITO - PAINEL DE 17 GENES POR NGS:** CASQ2, CTNNA3, DES, DSC2, DSG2, DSP, FLNC, JUP, LMNA, MIB1, PKP2, PLN, RYR2, SCN5A, TGFB3, TMEM43, TTN
- MIOCÁRDIO NÃO-COMPACTADO - PAINEL DE 16 GENES POR NGS:** ACTC1, ACTN2, DTNA, FHL2, FHOD3, ILK, LAMP2, LMNA, LDB3, MIB1, MYBPC3, MYH7, PRDM16, TAZ, TNNT2, TPM1
- MIOCÁRDIO NÃO-COMPACTADO / SÍNDROME DE BARTH:** gene TAZ

CARDIOMIOPATIA DILATADA

- CARDIOMIOPATIA DILATADA - PAINEL ALARGADO DE 47 GENES POR NGS:** ABCC9, ACTC1, ACTN2, ANKRD1, BAG3, CRYAB, CSRP3, CTF1, DES, DMD, DSG2, DSP, EMD, EYA4, FHL2, FHOD3, FKTN, FLNC, GATAD1, ILK, LAMA4, LAMP2, LDB3, LMNA, MYBPC3, MYH6, MYH7, MYOZ1, MYPN, NEXN, PKP2, PLN, PSEN1, PSEN2, RBM20, SCN5A, SGCA, SGCD, TAZ, TCAP, TMPO, TNNC1, TNNI3, TNNT2, TPM1, TTN, VCL
- CARDIOMIOPATIA DILATADA - PAINEL BÁSICO DE 32 GENES POR NGS:** ACTC1, ACTN2, ANKRD1, BAG3, CSRP3, DES, DSG2, DMD, DSP, EMD, EYA4, LDB3, LMNA, MYBPC3, MYH6, MYH7, NEXN, PLN, PSEN1, PSEN2, RBM20, SCN5A, SGCD, TAZ, TCAP, TMPO, TNNC1, TNNI3, TNNT2, TPM1, TTN, VCL
- CARDIOMIOPATIA DILATADA:** gene ACTC1
- CARDIOMIOPATIA DILATADA:** gene LMNA
- CARDIOMIOPATIA DILATADA:** gene MYH7
- CARDIOMIOPATIA DILATADA:** gene TNNT2
- CARDIOMIOPATIA DILATADA:** gene TPM1
- CARDIOMIOPATIA DILATADA:** genes MYH7, TNNT2, TPM1, ACTC1

CARDIOMIOPATIA HIPERTRÓFICA

- CARDIOMIOPATIA HIPERTRÓFICA (GENES SARCOMÉRICOS) - PAINEL DE 8 GENES POR NGS:** ACTC1, MYBPC3, MYH7, MYL2, MYL3, TNNI3, TNNT2, TPM1
- CARDIOMIOPATIA HIPERTRÓFICA - PAINEL ALARGADO DE 68 GENES POR NGS:** AARS2, ACTA1, ACTC1, ACTN2, ANKRD1, BAG3, CALR3, CASQ2, CAV3, COA5, CRYAB, CSRP3, DES, FHL1, FHOD3, FLNC, FOXRED1, FXN, GAA, GLA, GLB1, GUSB, HRAS, JPH2, KONQ1, KLF10, KRAS, LAMP2, LDB3, LMNA, MAP2K1, MAP2K2, MRPL3, MYBPC3, MYH6, MYH7, MYL2, MYL3, MYLK2, MYOM1, MYOZ2, MYPN, NEXN, NRAS, OBSCN, PDLIM3, PLN, PRKAG2, PTPN11, RAF1, RIT1, RYR2, SCD2, SHOC2, SLC25A3, SLC25A4, SOS1, TCAP, TMEM70, TNNC1, TNNI3, TNNT2, TPM1, TRIM63, TSFM, TTN, TTR, VCL

- CARDIOMIOPATIA HIPERTRÓFICA - PAINEL BÁSICO DE 25 GENES POR NGS:** CTCT1, ACTN2, CSRP3, GLA, KRAS, LAMP2, MYBPC3, MYH6, MYH7, MYL2, MYL3, MYOZ2, NEXN, PLN, PRKAG2, PTPN11, RAF1, RIT1, SOS1, TCAP, TNNC1, TNNI3, TNNT2, TPM1, TTR
- CARDIOMIOPATIA HIPERTRÓFICA:** gene ACTC1
- CARDIOMIOPATIA HIPERTRÓFICA:** gene CSRP3
- CARDIOMIOPATIA HIPERTRÓFICA:** gene FHL1
- CARDIOMIOPATIA HIPERTRÓFICA:** gene MYBPC3
- CARDIOMIOPATIA HIPERTRÓFICA:** gene MYH7
- CARDIOMIOPATIA HIPERTRÓFICA:** gene MYL2
- CARDIOMIOPATIA HIPERTRÓFICA:** gene MYL3
- CARDIOMIOPATIA HIPERTRÓFICA:** gene TNNI3
- CARDIOMIOPATIA HIPERTRÓFICA:** gene TNNT2
- CARDIOMIOPATIA HIPERTRÓFICA:** gene TPM1
- DOENÇA DE FABRY:** gene GLA - caso index
- DOENÇA DE FABRY:** gene GLA - estudo de familiar

ARRITMIAS / DOENÇAS DA CONDUÇÃO CARDÍACA

- ARRITMIAS CARDÍACAS - PAINEL DE 189 GENES POR NGS:** A2ML1, AARS2, ABCC9, ACAD9, ACADVL, ACTA1, ACTC1, ACTN2, AGK, AGL, AGPAT2, AKAP9, ALMS1, ANK2, ANKRD1, ANO5, ATP5E, ATPAF2, BAG3, BRAF, BSC2, CACNA1C, CACNA1D, CACNA2D1, CACNB2, CALM1, CALM2, CALM3, CALR3, CAPN3, CASQ2, CAV3, CAVIN4, CHR2, COA5, COA6, COQ2, COX15, COX6B1, CRYAB, CSRP3, CTNNA3, DES, DLD, DMD, DNAJC19, DOLK, DSC2, DSG2, DSP, DTNA, ELAC2, EMD, EYA4, FAH, FHL1, FHL2, FHOD3, FKR, FKTN, FLNC, FOXD4, FOXRED1, FXN, GAA, GATA4, GATA6, GATAD1, GFM1, GJA1, GJA5, GLA, GLB1, GNPTAB, GPD1L, GUSB, HCN4, HRAS, JPH2, JUP, KCND2, KCND3, KCNE1, KCNE2, KCNE3, KCNE5, KCNH2, KCNJ2, KCNJ5, KCNJ8, KCNK17, KCNQ1, KRAS, LAMA4, LAMA4, LAMP2, LDB3, LDLR, LIAS, LMNA, LZTR1, MAP2K1, MAP2K2, MIB1, MLYCD, MRPL3, MRPL44, MRPS22, MTO1, MYBPC3, MYH6, MYH7, MYL2, MYL3, MYOM1, MYOT, MYOZ2, MYPN, NEBL, NEXN, NF1, NKX2-5, NKX2-6, NNT, NRAS, OBSCN, PDHA1, PHKA1, PITX2, PKP2, PLN, PMM2, PRDM16, PRKAG2, PSEN1, PSEN2, PTPN11, RAF1, RANGRF, RASA2, RBM20, RIT1, RRAS, RYR2, SCN10A, SCN1B, SCN2B, SCN3B, SCN4B, SCN5A, SCD2, SDHA, SGCD, SHOC2, SLC22A5, SLC25A3, SLC25A4, SLMAP, SNTA1, SOS1, SOS2, SPEG, SPRED1, SURF1, SYNE1, SYNE2, TAZ, TBX20, TBX5, TCAP, TGFB3, TMEM43, TMEM70, TMPO, TNNC1, TNNI3, TNNI3K, TNNT2, TOR1AIP1, TPM1, TRDN, TRIM63, TRPM4, TSFM, TTN, TTR, TXNRD2, VCL, XK

- MORTE SÚBITA SEM CARDIOPATIA ESTRUTURAL - PAINEL DE 65 GENES POR NGS:** ABCC9, ACTC1, AKAP9, ANK2, CACNA1C, CACNA1D, CACNA2D1, CACNB2, CALM1, CALM2, CALM3, CASQ2, CAV3, CAVIN4, DES, DSC2, DSG2, DSP, EMD, FGF12, FHL2, FLNC, GAA, GJA5, GLA, GPD1L, HCN4, JUP, KCND2, KCND3, KCNE1, KCNE2, KCNE3, KCNE5, KCNH2, KCNJ2, KCNJ5, KCNJ8, KCNK17, KCNQ1, LAMP2, LMNA, NKX2-5, PKP2, PLN, PRKAG2, RANGRF, RYR2, SCN10A, SCN1B, SCN2B, SCN3B, SCN4B, SCN5A, SLMAP, SNTA1, TBX5, TMEM43, TNNC1, TNNI3, TNNI3K, TNNT2, TRDN, TRPM4, TTR
- SÍNDROME DE BRUGADA - PAINEL DE 31 GENES POR NGS:** ANK2, ANK3, ABCC9, CACNA1C, CACNA1D, CACNA2D1, CACNB2, CAV3, CLASP2, DPP6, FGF12, GPD1L, HCN4, IRX5, KCND2, KCND3, KCNE3, KCNE5, KCNH2, KCNJ8, PKP2, PDXNL, RANGRF, SCN1B, SCN2B, SCN3B, SCN5A, SCN10A, SEMA3A, SLMAP, TRPM4

CARDIOLOGIA

- 34900 **SÍNDROME DE BRUGADA:** gene *SCN5A*
- 34900 **SÍNDROME DO QT LONGO - PAINEL DE 15 GENES POR NGS:** *AKAP9, ANK2, CACNA1C, CALM1, CALM2, CAV3, KCNE1, KCNE2, KCNH2, KCNJ2, KCNJ5, KCNQ1, SCN4B, SCN5A, SNTA1*
- 34900 **SÍNDROME QT LONGO:** genes *KCNQ1, KCNH2, SCN5A*
- 34900 **SÍNDROME QT LONGO (LQT1):** gene *KCNQ1*
- 34900 **SÍNDROME QT LONGO (LQT2):** gene *KCNH2*
- 34900 **SÍNDROME QT LONGO (LQT3):** gene *SCN5A*
- 34900 **SÍNDROME QT LONGO (LQT5):** gene *KCNE1*
- 34900 **TAQUICARDIA VENTRICULAR POLIMÓRFICA CATECOLAMINÉRGICA - PAINEL DE 8 GENES POR NGS:** *ANK2, CALM1, CALM2, CALM3, CASQ2, KCNJ2, RYR2, TRDN*

AORTOPATIAS / CONJUNTIVOPATIAS

- 34900 **DOENÇAS DA AORTA / TECIDO CONJUNTIVO - PAINEL DE 60 GENES POR NGS:** *ACTA2, ADAMTS10, ADAMTS17, ADAMTS2, ADAMTSL4, ATP7A, B3GALT6, B3GLCT, B4GALT7, BGN, C1R, C1S, CBS, CHST14, COL11A1, COL11A2, COL12A1, COL1A1, COL1A2, COL2A1, COL3A1, COL4A1, COL5A1, COL5A2, COL9A1, COL9A2, DSE, EFEMP2, ELN, FBN1, FBN2, FKBP14, FLNA, FOXE3, GAA, HRAS, KCNJ8, LOX, LTBP2, MAT2A, MED12, MFAP5, MYH11, MYLK, NOTCH1, PLOD1, PRDM5, PRKG1, PTPN11, SKI, SLC2A10, SLC39A13, SMAD2, SMAD3, SMAD4, TGFB2, TGFB3, TGFB3, TGFB3, TGFB3, ZNF469*
- 34900 **PATOLOGIAS DA AORTA - PAINEL DE 28 GENES POR NGS:** *ACTA2, CBS, COL3A1, COL5A1, COL5A2, EFEMP2, ELN, FBN1, FBN2, FLNA, GATA5, MAT2A, MED12, MFAP5, MYH11, MYLK, NOTCH1, PLOD1, PRKG1, SKI, SLC2A10, SMAD3, SMAD4, SMAD6, TGFB2, TGFB3, TGFB3, TGFB3, ZNF469*
- 34900 **SÍNDROME DE EHLERS-DANLOS - PAINEL DE 20 GENES POR NGS:** *ADAMTS2, ATP7A, B3GALT6, B4GALT7, CHST14, COL1A1, COL1A2, COL3A1, COL5A1, COL5A2, DSE, FKBP14, FLNA, KIF22, PLOD1, SLC39A13, TNXB, ZNF469, PRDM5, SCN9A*
- 34900 **SÍNDROME DE MARFAN E MARFAN-LIKE - PAINEL DE 9 GENES POR NGS:** *COL3A1, FBN1, FBN2, SKI, SLC2A10, SMAD3, TGFB2, TGFB3, TGFB3*
- 34900 **ANEURISMA/DISSECÇÃO DA AORTA TORÁCICA:** gene *ACTA2*
- 34900 **SÍNDROME DE EHLERS-DANLOS, FORMA CLÁSSICA:** gene *COL5A1*
- 34900 **SÍNDROME DE EHLERS-DANLOS, TIPO VASCULAR:** gene *COL3A1*
- 34900 **SÍNDROME DE LOEYS-DIETZ:** gene *TGFB3*
- 34900 **SÍNDROME DE LOEYS-DIETZ:** gene *TGFB3*
- 34900 **SÍNDROME DE MARFAN:** gene *FBN1*

OUTRAS PATOLOGIAS

- 34900 **CARDIOMIOPATIA E ARRITMIA - PAINEL DE 198 GENES POR NGS:** *2ML1, AARS2, ABCG9, ACAD9, ACADVL, ACTA1, ACTN2, AGK, AGL, AGPAT2, AKAP9, ALMS1, ANK2, ANKRD1, ANO5, ATP5E, ATPAF2, BAG3, BRAF, BSCL2, CACNA1C, CACNA1D, CACNA2D1, CACNB2, CALM1, CALM2, CALM3, CALR3, CAPN3, CASQ2, CAV3, CAVIN4, CHRIM2, COA5, COA6, COQ2, COX15, COX6B1, CRYAB, CSRP3, CTF1, CTNNA3, DES, DLD, DMD, DNAJC19, DOLK, DSG2, DSG2, DSP, DTNA, ELAC2, EMD, EYA4, FAH, FGF12, FHL1, FHL2, FHOD3, FKRP, FKTN, FLNC, FOXD4, FOXRED1, FXN, GAA, GATA4, GATA6, GATAD1, GFMT1, GJA1, GJA5, GLA, GLB1, GNPTAB, GPD1L, GUSB, HCN4, HRAS, ILK, JPH2, JUP, KCND2, KCND3, KCNE1, KCNE2, KCNE3, KCNE5, KCNH2, KCNJ2, KCNJ5, KCNJ8, KCNK17, KCNQ1, KLF10, KRAS, LAMA2, LAMA4, LAMP2, LDB3, LDLR, LIAS, LMNA, LZTR1, MAP2K1, MAP2K2, MIB1, MLYCD, MRPL3, MRPL44, MRPS22, MT01, MYBPC3, MYH6, MYH7, MYL2, MYL3, MYLK2, MYOM1, MYOT, MYOZ1, MYOZ2, MYPN, NEBL, NEXN, NF1, NKX2-5, NKX2-6, NNT, NRAS, OBSCN, PDHA1, PDLIM3, PHKA1, PITX2, PKP2, PLN, PMM2, PRDM16, PRKAG2, PSEN1, PSEN2, PTPN11, RAF1, RANGRF, RASA2, RBM20, RIT1, RRAS, RYR2, SCN10A, SCN1B, SCN2B, SCN3B, SCN4B, SCN5A, SCD2, SDHA, SGCA, SGCG, SHOC2, SLC22A5, SLC25A3, SLC25A4, SLMAP, SNTA1, SOS1, SOS2, SPEG, SPRED1, SURF1, SYNE1, SYNE2, TAZ, TBX20, TBX5, TCAP, TGFB3, TMEM43, TMEM70, TMPO, TNNC1, TNNI3, TNNI3K, TNNT2, TOR1AIP1, TPM1, TRDN, TRIM63, TRPM4, TSFM, TTN, TTR, TXNRD2, VCL, XK*
- 34900 **CILIOPATIAS - PAINEL DE 164 GENES POR NGS:** *ACVR2B, ADGRV1, AHI1, AIPL1, ALMS1, ANKS6, ARL13B, ARL6, ARMC4, ATXN10, B9D1, B9D2, BBIP1, BBS1, BBS10, BBS12, BBS2, BBS4, BBS5, BBS7, BBS9, C21orf59, C2orf71, C5orf42, CC2D2A, CCDC103, CCDC114, CCDC151, CCDC28B, CCDC39, CCDC40, CCDC65, CCNO, CDH23, CENPF, CEP104, CEP120, CEP164, CEP290, CEP41, CEP83, CFAP53, CFTR, CLRN1, CRB1, CRELD1, CRX, CSPP1, DGDC2, DNAAF1, DNAAF2, DNAAF3, DNAAF4, DNAAF5, DNAH1, DNAH11, DNAH5, DNAH8, DNAH9, DNAI1, DNAI2, DNAJB13, DNAL1, DRC1, DYNC2H1, EVC, EVC2, EXOC8, FOXH1, GAS2L2, GAS8, GDF1, GLIS2, GUCY2D, HYDIN, HYL51, IFT122, IFT140, IFT172, IFT27, IFT43, IFT80, IMPDH1, INPP5E, INVS, IQCB1, KCNJ13, KIAA0556, KIAA0586, KIF14, KIF7, LCA5, LEFTY2, LRAT, LRR6, LZTF1, MCIDAS, MKKS, MKS1, MRE11, MYO7A, NEK1, NEK8, NKX2-5, NME8, NODAL, NPHP1, NPHP3, NPHP4, OFD1, PCDH15, PDE6D, PIEZO2, PIH1D3, PKD2, PKHD1, RD3, RDH12, RPE65, RPGR, RRGRI1, RRGRI1L, RSPH1, RSPH3, RSPH4A, RSPH9, SCNN1A, SCNN1B, SCNN1G, SDCAG8, SPAG1, SPATA7, TCTN1, TCTN2, TCTN3, TMEM107, TMEM138, TMEM216, TMEM231, TMEM237, TMEM67, TOPORS, TRIM32, TSC1, TSC2, TTC21B, TTC25, TTC8, TULP1, UMOD, USH1C, USH1G, USH2A, VHL, WDPCP, WDR19, WDR34, WDR35, WDR60, WHRN, XPNPEP3, ZIC3, ZMYND10, ZNF423*
- 34900 **GENOTIPO I/D DA ENZIMA CONVERSORA DA ANGIOTENSINA I (ECA)**
- 34900 **HIPERTENSÃO ARTERIAL PULMONAR HEREDITÁRIA - PAINEL DE 11 GENES POR NGS:** *ACVRL1, BMPR1B, BMPR2, CAV1, CBLN2, EIF2AK4, ENG, FOXF1, KCNA5, KCNK3, SMAD9*
- 34900 **HIPERTENSÃO MONOGÉNICA - PAINEL DE 27 GENES POR NGS:** *AOC1, ASIC3, CLCNKB, CUL3, CYP11B1, CYP11B2, CYP17A1, HSD11B2, KCNH2, KCNJ1, KLHL3, NOS3, NR3C2, PDE3A, RET, SDHA, SDHAF2, SDHB, SDHD, SLD12A1, SLC12A3, SCNN1B, SCNN1G, VHL, WNK1, WNK4*
- 34900 **SÍNDROME DE NOONAN / RASOPATIAS - PAINEL DE 20 GENES POR NGS:** *A2ML1, BRAF, CBL, FGD1, HRAS, KRAS, LZTR1, MAP2K1, MAP2K2, NF1, NRAS, PTPN11, RAF1, RASA2, RIT1, RRAS, SHOC2, SOS1, SOS2, SPRED1*